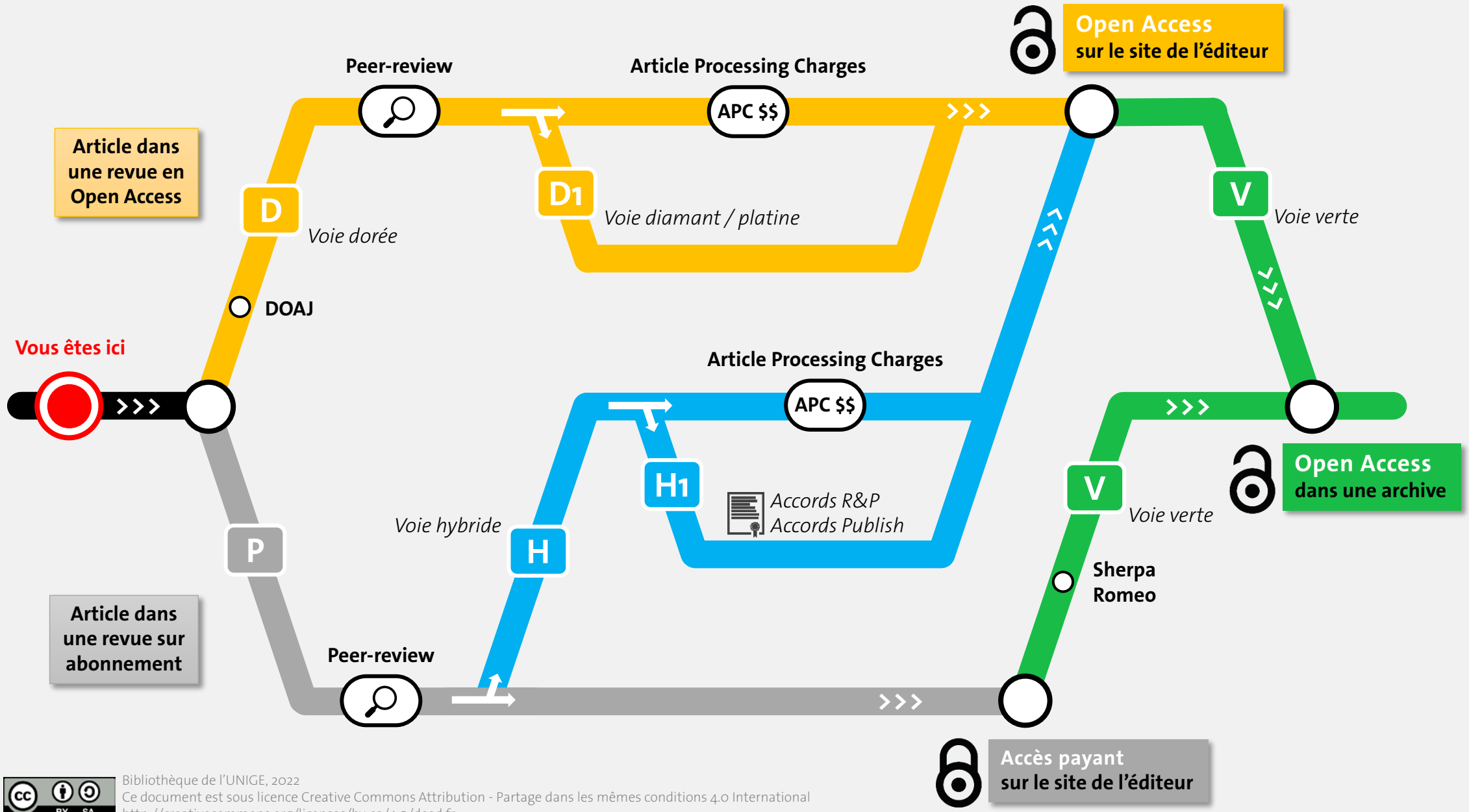
Utiliser Unpaywall pour promouvoir la voie verte de l'Open Access

LibreABC, 31 août 2023

Floriane MULLER

Bibliothèque de l'UNIGE, site CMU (Médecine & Sciences pharmaceutiques)

Publication scientifique : les chemins vers l'Open Access



Instructions

Go to

www.menti.com

Enter the code

3455 8215

Or use QR code

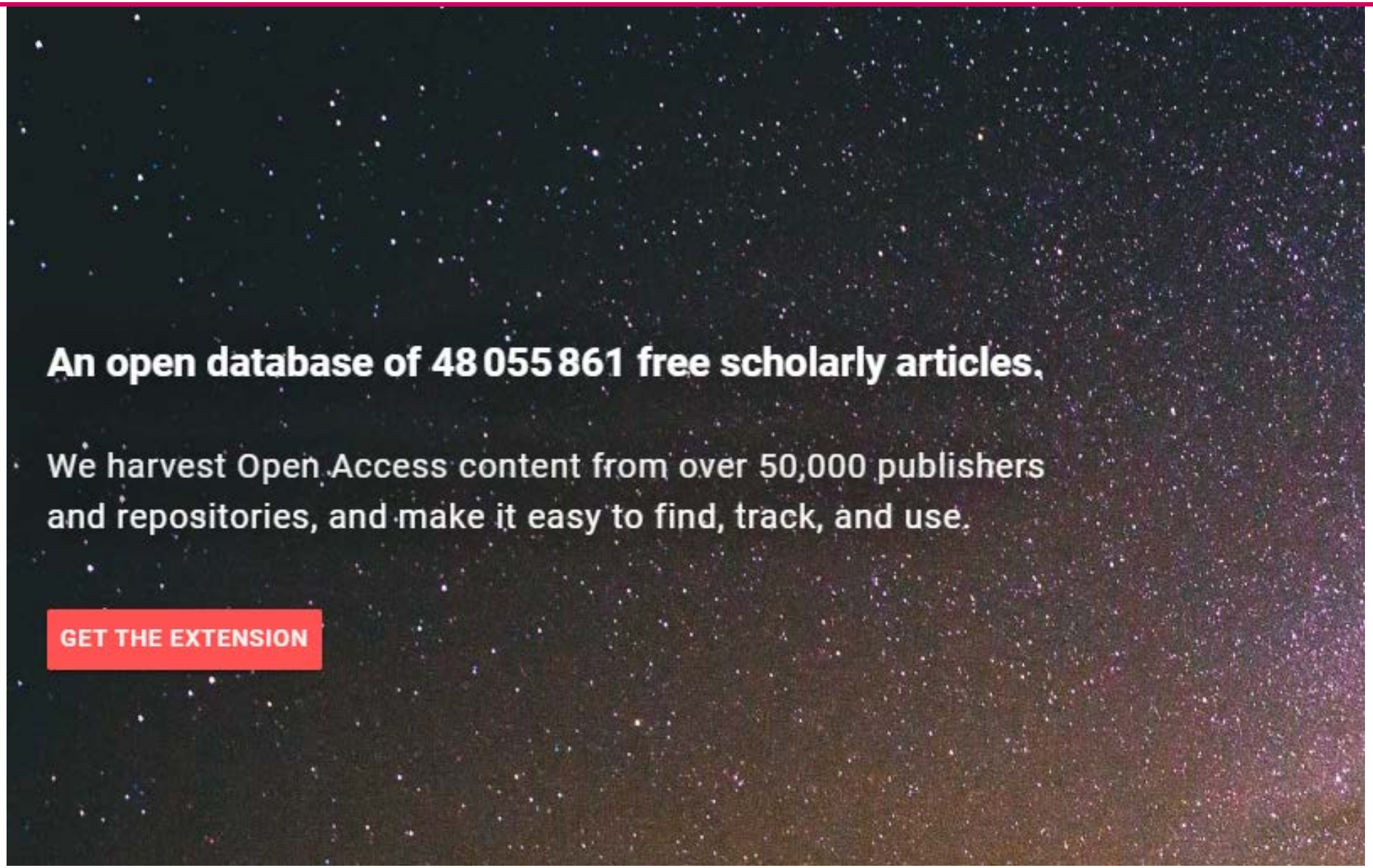
De quoi s'agit-il ?

- **Base de données**
  - Pour chaque DOI, elle liste les lieux (légaux) connus où un PDF est gratuitement accessible, et les informations connues sur ce PDF

- Des services associés
  - **Extension de navigateur (plugin) disponible pour Chrome et Firefox**
  - API
  - Outil interrogation en lot
  - Fonctionnalités intégrées dans certains autres outils
  - …

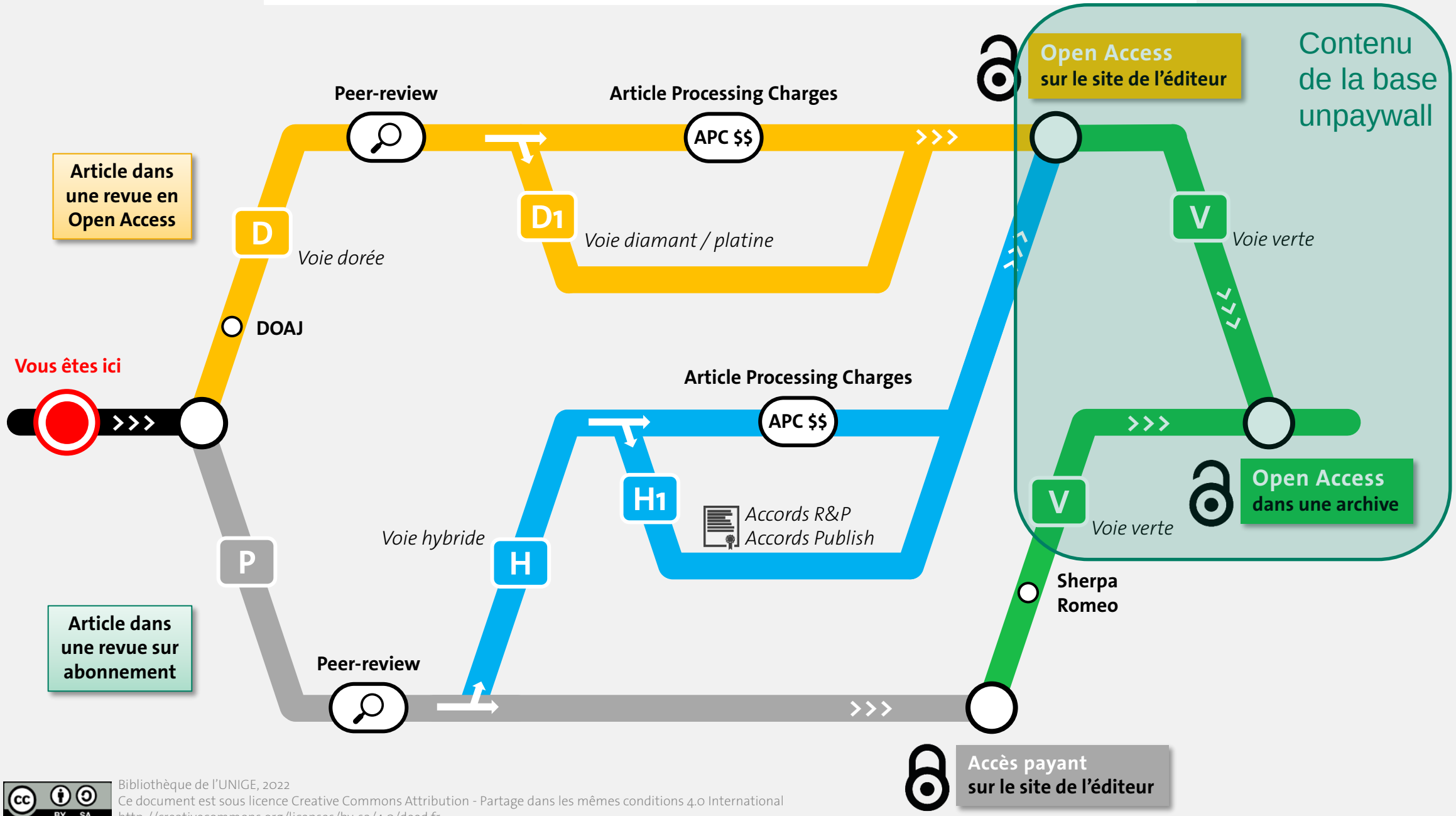
Open source, projet de https://ourresearch.org/projects

DE QUOI S'AGIT-IL ?

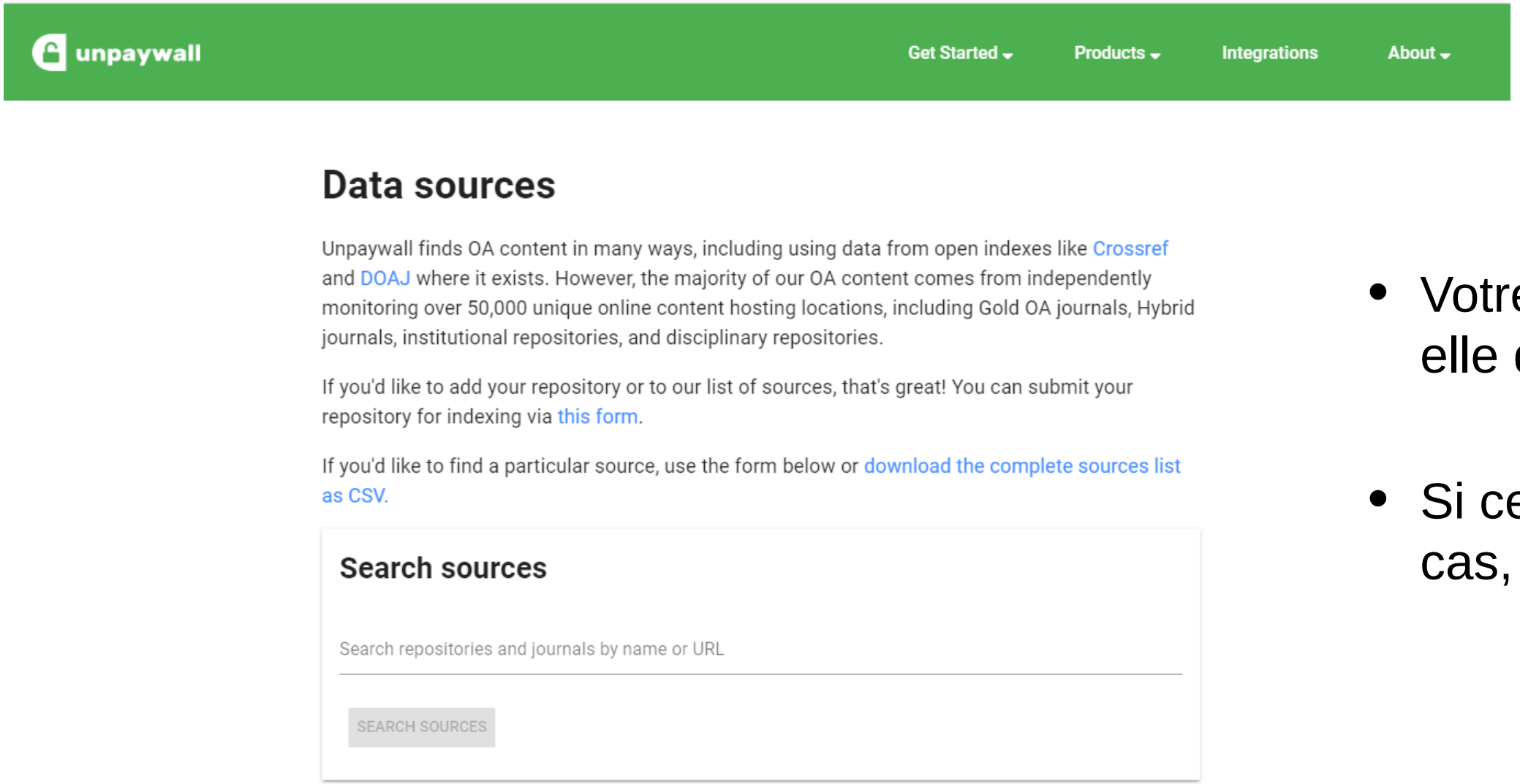


www.unpaywall.org

Publication scientifique : les chemins vers l'Open Access



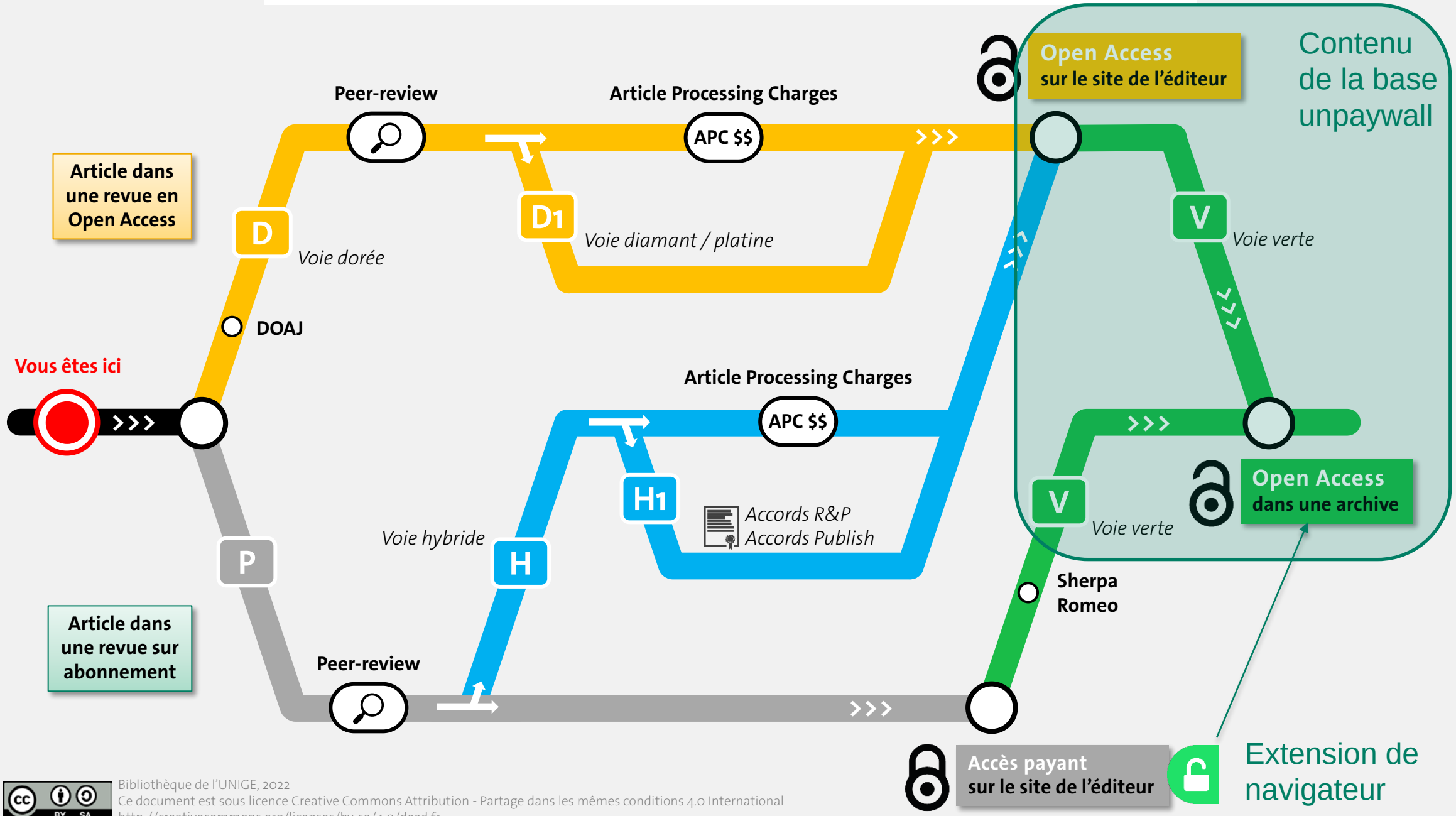
SOURCES UTILISÉES PAR UNPAYWALL



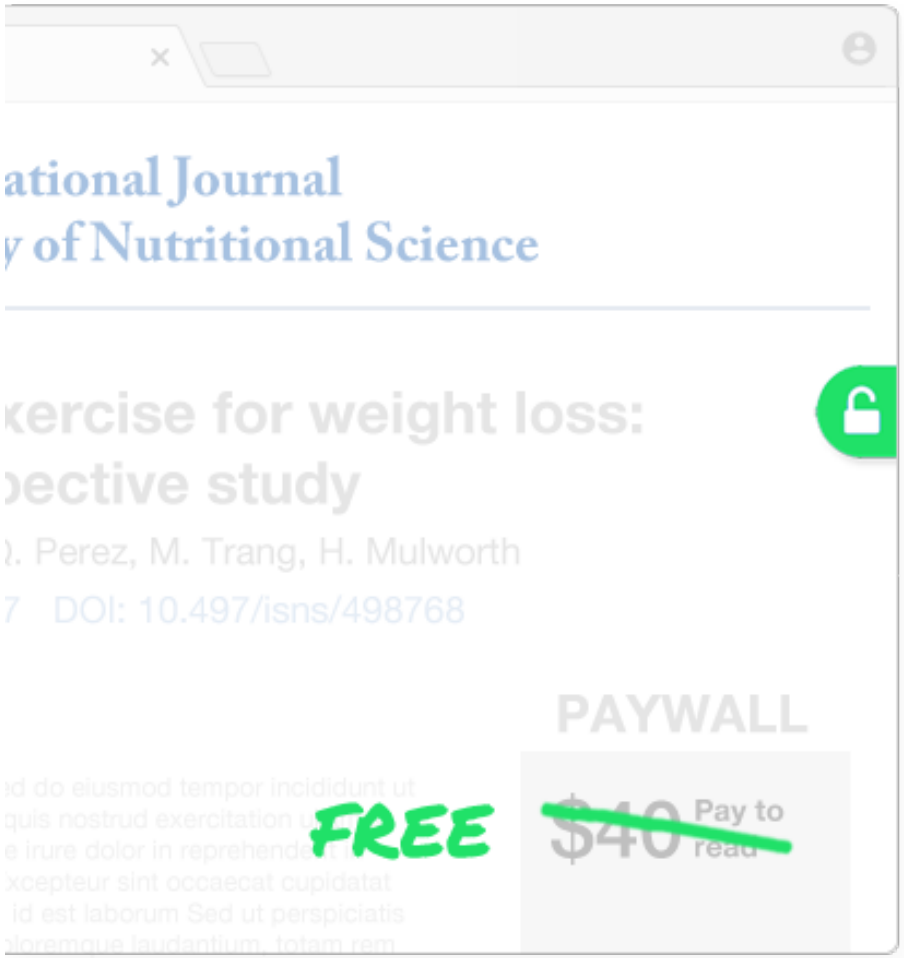
Data sources | Unpaywall

- Votre archive est-elle dans la liste ?
- Si ce n'est pas le cas, rdv par ici.

Publication scientifique : les chemins vers l'Open Access



L'EXTENSION: UN OUTIL POUR…



… Interroger la base de données automatiquement, lorsqu'on navigue sur le web

✓ Contourner légalement les « paywall »

✓ Accéder à des articles scientifiques normalement payants, directement depuis le site de la revue

✓ Localiser *une version* librement accessible d'un article, par ex. dans une archive institutionnelle, sans devoir la chercher soi-même

✓ Faciliter la navigation sur les plateformes d'éditeurs ?

Image credit: https://unpaywall.org/products/extension

POUR L'INSTALLER

1. Se rendre sur http://unpaywall.org/
2. «Get the extension»
3. Télécharger pour chrome/firefox

Exemples pour tester:

Les articles ci-dessous ne sont pas accessible via l'UNIGE, mais Unpaywall donne des résultats.
Cliquez sur le bouton qui apparaît à droite du navigateur pour voir par vous-même.

Image credit: https://unpaywall.org/products/extension

https://www.nature.com/articles/s41551-019-0446-8

https://link.springer.com/article/10.1057%2Fjittc.2015.5

https://www.epjap.org/articles/epjap/abs/2015/06/ap150129/ap150129.html

https://journals.sagepub.com/doi/10.1177/00220345860650020901

https://www.magonlinelibrary.com/doi/abs/10.12968/ijtr.2015.22.11.517

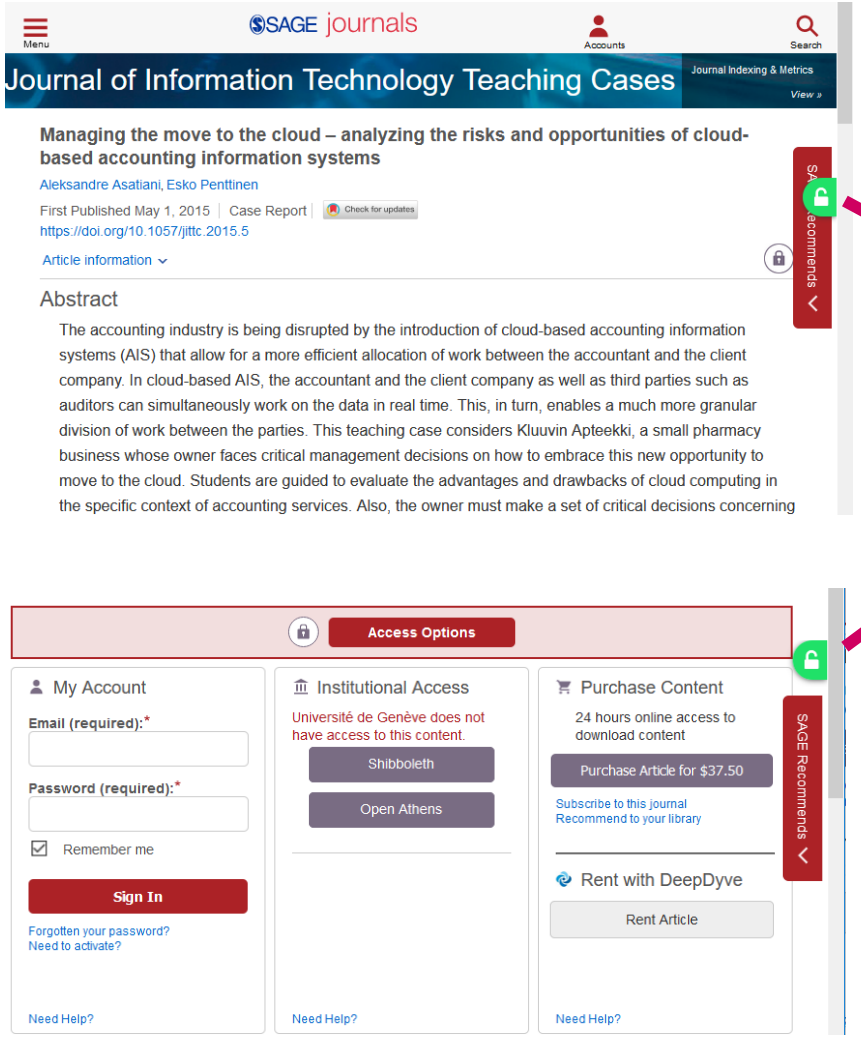
https://doi.org/10.1111/bjd.14445

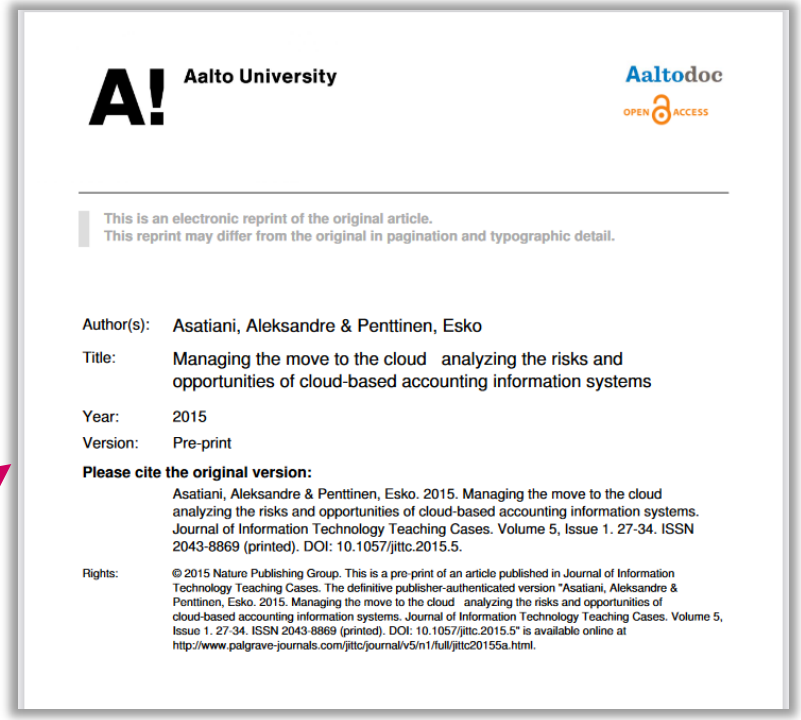
https://royalsocietypublishing.org/doi/10.1098/rsnr.2020.0019

https://www.eurekaselect.com/163865/article

EXEMPLE

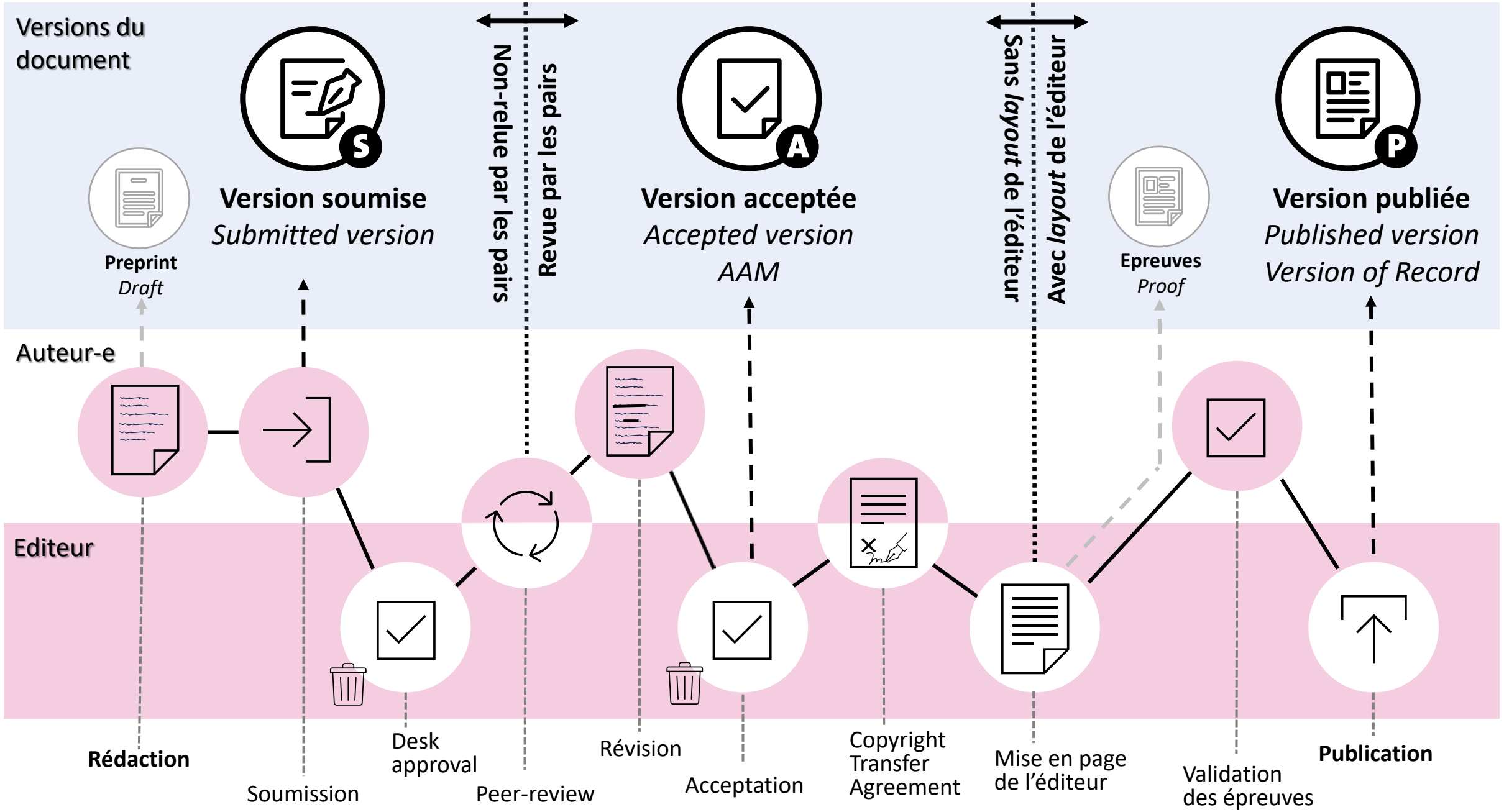
https://journals.sagepub.com/doi/10.1057/jittc.2015.5





Ici: Version pré-print (=soumise)
déposée par les auteurs/trices
dans une archive institutionnelle en Finlande

Etapes du processus de publication avec les différentes versions du document



A vous de jouer!

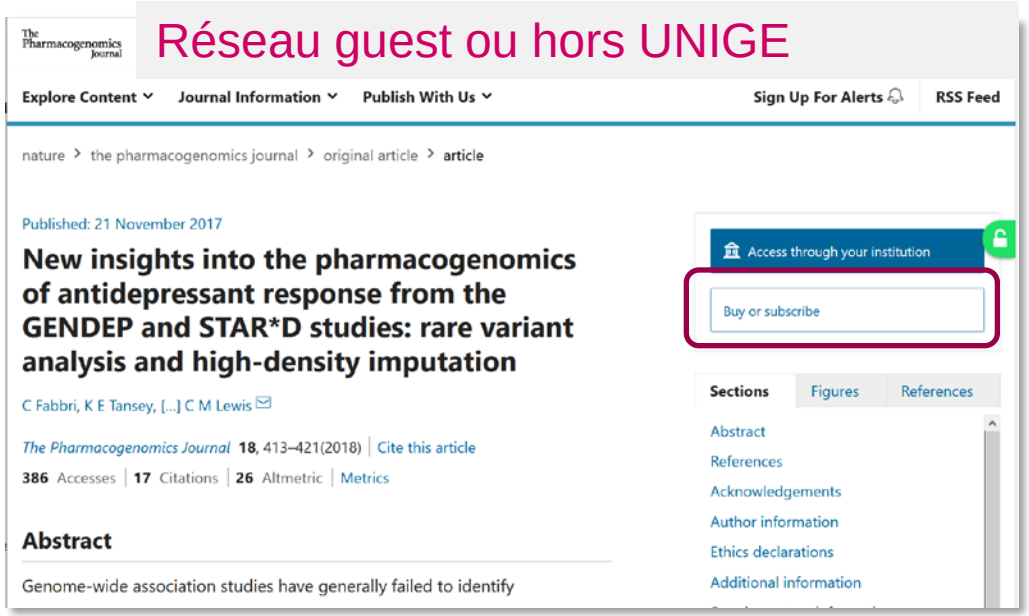
Rendez-vous sur https://www.nature.com/articles/tpj201744
et cliquez sur l'extension

- Pouvez-vous identifier quelle version c'est : preprint, version acceptée, etc. ?
- Et d'où elle vient?

→Vos réponses dans le menti
www.menti.com
3455 8215

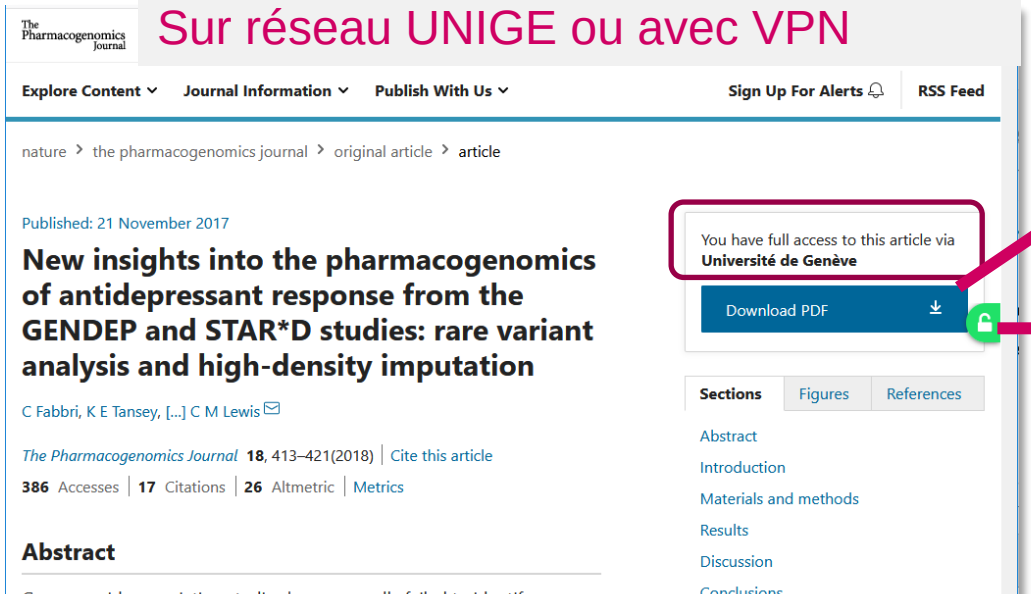
POINTE VERS LA «MEILLEURE» VERSION

Réseau guest ou hors UNIGE



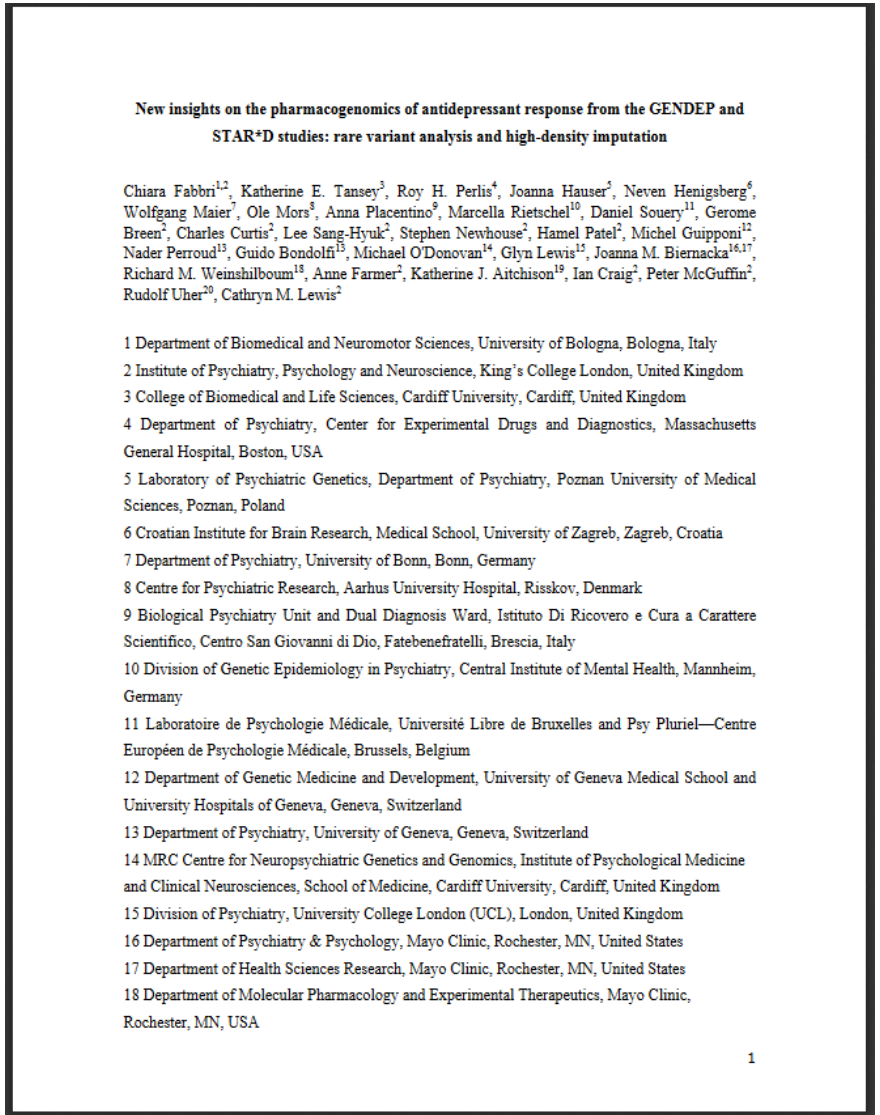
Via archive ouverte Cardiff

Sur réseau UNIGE ou avec VPN



Via abonnements UNIGE

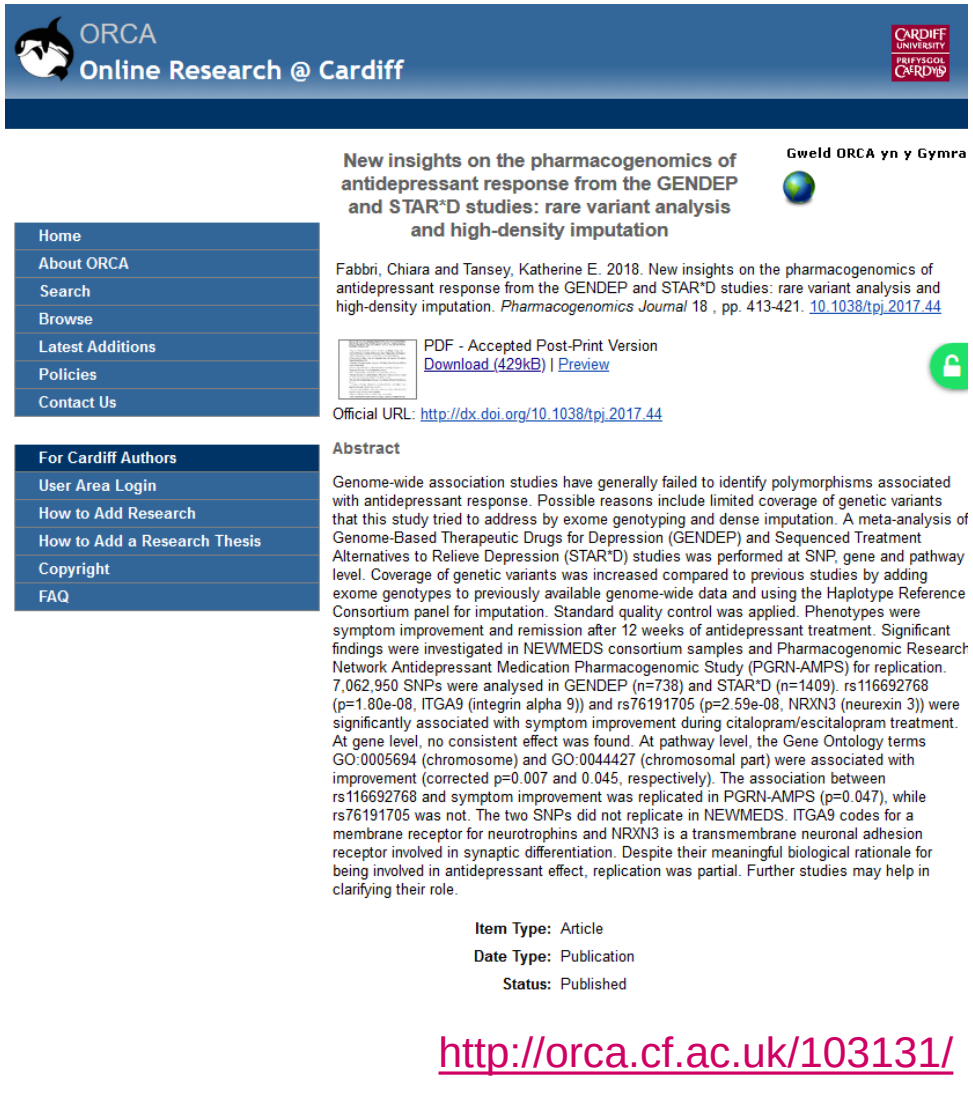
→ VERSION ACCEPTÉE - ARCHIVE CARDIFF



New insights on the pharmacogenomics of antidepressant response from the GENDEP and STAR*D studies: rare variant analysis and high-density imputation

Chiara Fabbri[1,2], Katherine E. Tansey[3], Roy H. Perlis[4], Joanna Hauser[5], Neven Henigsberg[6], Wolfgang Maier[7], Ole Mors[8], Anna Placentino[9], Marcella Rietschel[10], Daniel Souery[11], Gerome Breen[2], Charles Curtis[2], Lee Sang-Hyuk[2], Stephen Newhouse[2], Hamel Patel[2], Michel Guipponi[12], Nader Perroud[13], Guido Bondolfi[13], Michael O'Donovan[14], Glyn Lewis[15], Joanna M. Biernacka[16,17], Richard M. Weinshilboum[18], Anne Farmer[2], Katherine J. Aitchison[19], Ian Craig[2], Peter McGuffin[2], Rudolf Uher[20], Cathryn M. Lewis[2]

1 Department of Biomedical and Neuromotor Sciences, University of Bologna, Bologna, Italy
2 Institute of Psychiatry, Psychology and Neuroscience, King's College London, United Kingdom
3 College of Biomedical and Life Sciences, Cardiff University, Cardiff, United Kingdom
4 Department of Psychiatry, Center for Experimental Drugs and Diagnostics, Massachusetts General Hospital, Boston, USA
5 Laboratory of Psychiatric Genetics, Department of Psychiatry, Poznan University of Medical Sciences, Poznan, Poland
6 Croatian Institute for Brain Research, Medical School, University of Zagreb, Zagreb, Croatia
7 Department of Psychiatry, University of Bonn, Bonn, Germany
8 Centre for Psychiatric Research, Aarhus University Hospital, Risskov, Denmark
9 Biological Psychiatry Unit and Dual Diagnosis Ward, Istituto Di Ricovero e Cura a Carattere Scientifico, Centro San Giovanni di Dio, Fatebenefratelli, Brescia, Italy
10 Division of Genetic Epidemiology in Psychiatry, Central Institute of Mental Health, Mannheim, Germany
11 Laboratoire de Psychologie Médicale, Université Libre de Bruxelles and Psy Pluriel—Centre Européen de Psychologie Médicale, Brussels, Belgium
12 Department of Genetic Medicine and Development, University of Geneva Medical School and University Hospitals of Geneva, Geneva, Switzerland
13 Department of Psychiatry, University of Geneva, Geneva, Switzerland
14 MRC Centre for Neuropsychiatric Genetics and Genomics, Institute of Psychological Medicine and Clinical Neurosciences, School of Medicine, Cardiff University, Cardiff, United Kingdom
15 Division of Psychiatry, University College London (UCL), London, United Kingdom
16 Department of Psychiatry & Psychology, Mayo Clinic, Rochester, MN, United States
17 Department of Health Sciences Research, Mayo Clinic, Rochester, MN, United States
18 Department of Molecular Pharmacology and Experimental Therapeutics, Mayo Clinic, Rochester, MN, USA



ORCA
Online Research @ Cardiff

Gweld ORCA yn y Gymra

Home
About ORCA
Search
Browse
Latest Additions
Policies
Contact Us

For Cardiff Authors
User Area Login
How to Add Research
How to Add a Research Thesis
Copyright
FAQ

New insights on the pharmacogenomics of antidepressant response from the GENDEP and STAR*D studies: rare variant analysis and high-density imputation

Fabbri, Chiara and Tansey, Katherine E. 2018. New insights on the pharmacogenomics of antidepressant response from the GENDEP and STAR*D studies: rare variant analysis and high-density imputation. *Pharmacogenomics Journal* 18 , pp. 413-421. 10.1038/tpj.2017.44

PDF - Accepted Post-Print Version
Download (429kB) | Preview

Official URL: http://dx.doi.org/10.1038/tpj.2017.44

Abstract

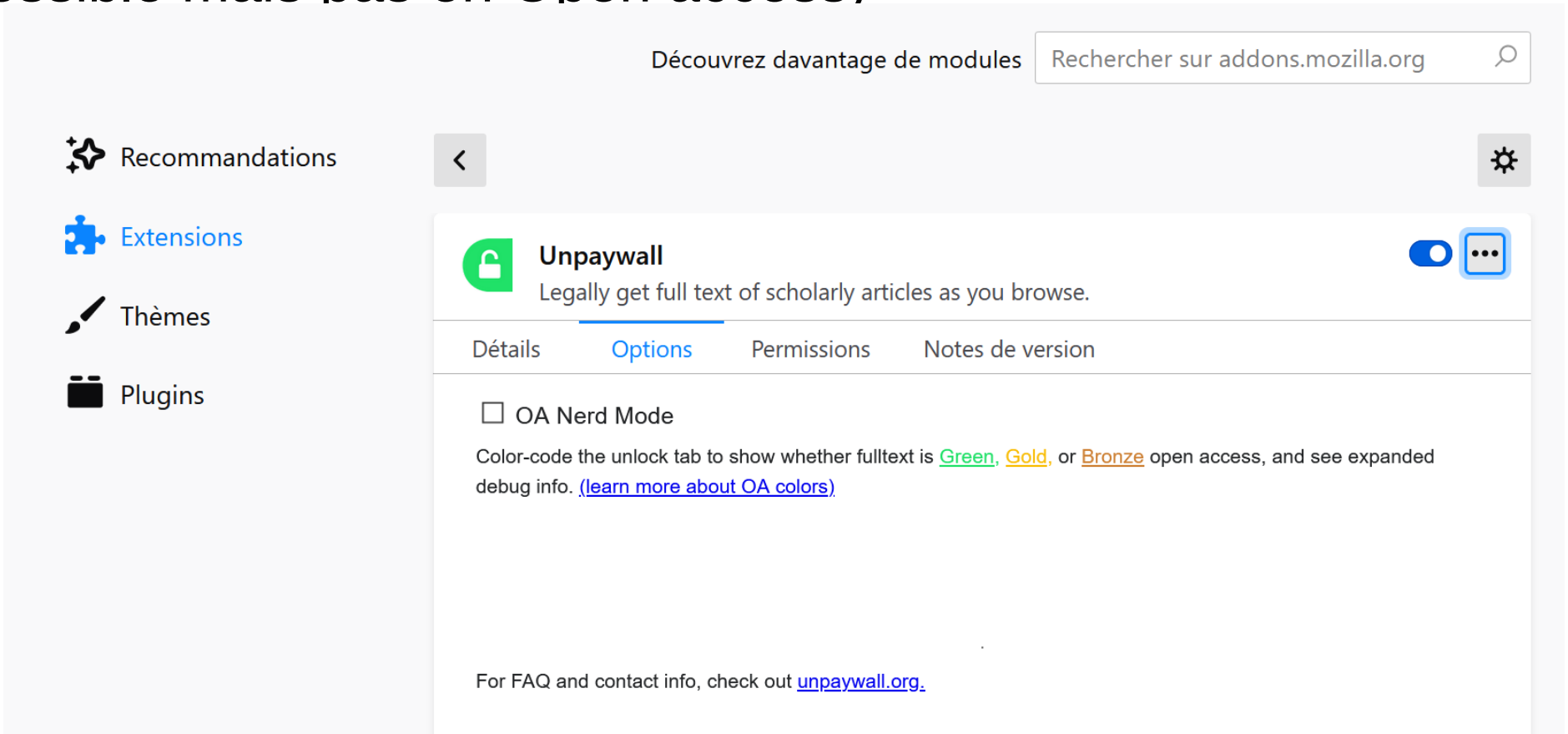
Genome-wide association studies have generally failed to identify polymorphisms associated with antidepressant response. Possible reasons include limited coverage of genetic variants that this study tried to address by exome genotyping and dense imputation. A meta-analysis of Genome-Based Therapeutic Drugs for Depression (GENDEP) and Sequenced Treatment Alternatives to Relieve Depression (STAR*D) studies was performed at SNP, gene and pathway level. Coverage of genetic variants was increased compared to previous studies by adding exome genotypes to previously available genome-wide data and using the Haplotype Reference Consortium panel for imputation. Standard quality control was applied. Phenotypes were symptom improvement and remission after 12 weeks of antidepressant treatment. Significant findings were investigated in NEWMEDS consortium samples and Pharmacogenomic Research Network Antidepressant Medication Pharmacogenomic Study (PGRN-AMPS) for replication. 7,062,950 SNPs were analysed in GENDEP (n=738) and STAR*D (n=1409). rs116692768 (p=1.80e-08, ITGA9 (integrin alpha 9)) and rs76191705 (p=2.59e-08, NRXN3 (neurexin 3)) were significantly associated with symptom improvement during citalopram/escitalopram treatment. At gene level, no consistent effect was found. At pathway level, the Gene Ontology terms GO:0005694 (chromosome) and GO:0044427 (chromosomal part) were associated with improvement (corrected p=0.007 and 0.045, respectively). The association between rs116692768 and symptom improvement was replicated in PGRN-AMPS (p=0.047), while rs76191705 was not. The two SNPs did not replicate in NEWMEDS. ITGA9 codes for a membrane receptor for neurotrophins and NRXN3 is a transmembrane neuronal adhesion receptor involved in synaptic differentiation. Despite their meaningful biological rationale for being involved in antidepressant effect, replication was partial. Further studies may help in clarifying their role.

Item Type: Article
Date Type: Publication
Status: Published

http://orca.cf.ac.uk/103131/

«NERD MODE»

- Possibilité de configurer l'extension pour que la couleur de l'icône reflète le type d'OA
(doré – version éditeur, vert – version auteur, bronze – version éditeur accessible mais pas en Open access)



UNPAYWALL N'EST PAS INFAILLIBLE !

Lorsque l'icone est grise,

→ c'est qu'aucune version n'est disponible via Unpaywall.

Pas d'icone unpaywall ?

→ c'est qu'aucun DOI n'a été trouvé sur la page web.
Si vous voyez malgré tout un DOI: il est possible de lancer manuellement l'extension (sur Chrome uniquement) ou d'utiliser le lien https://unpaywall.org/YOUR_DOI

OUTRE L'EXTENSION ?

- **Base de données**
  - Pour chaque DOI, elle liste les lieux (légaux) connus où un PDF est gratuitement accessible, et les informations connues sur ce PDF

- **Des services associés**
  - Extension de navigateur (plugin) disponible pour Chrome et Firefox
  - **API**
  - **Outil interrogation en lot**
  - **Fonctionnalités intégrées dans certains autres outils**
  - **...**

L'API

unpaywall Get Started Products Integrations

REST API

Quelques applications possibles

- Savoir où récupérer automatiquement le texte intégral lors du dépôt dans l'Archive institutionnelle
- Savoir ce qu'un usager va pouvoir voir hors du réseau institutionnel
- Localiser le nombre de copies OA d'un contenu
- Trouver des informations complémentaires comme leurs licences.

Authentication

Requests must include your email as a parameter at the end of the URL, like this:

`api.unpaywall.org/my/request?email=YOUR_EMAIL`.

Un exemple de requête à l'API : https://api.unpaywall.org/v2/10.1098/rsnr.2020.0019?email=floriane.muller@unige.ch

https://api.unpaywall.org/v2/10.1098/rsnr.2020.0019?email=floriane.muller@unige.ch

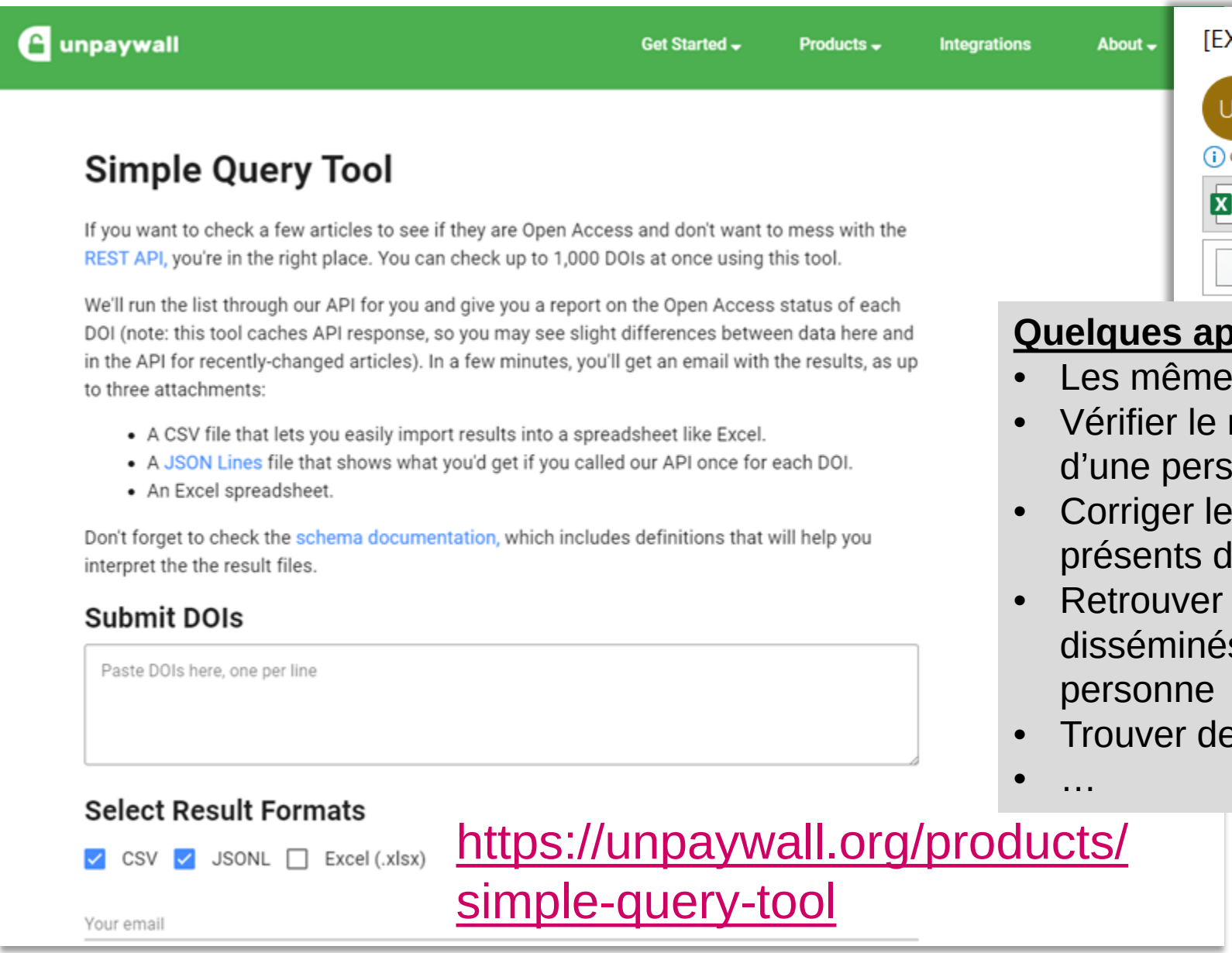
JSON Données brutes En-têtes

Enregistrer Copier Tout réduire Tout développer Filtrer le JSON

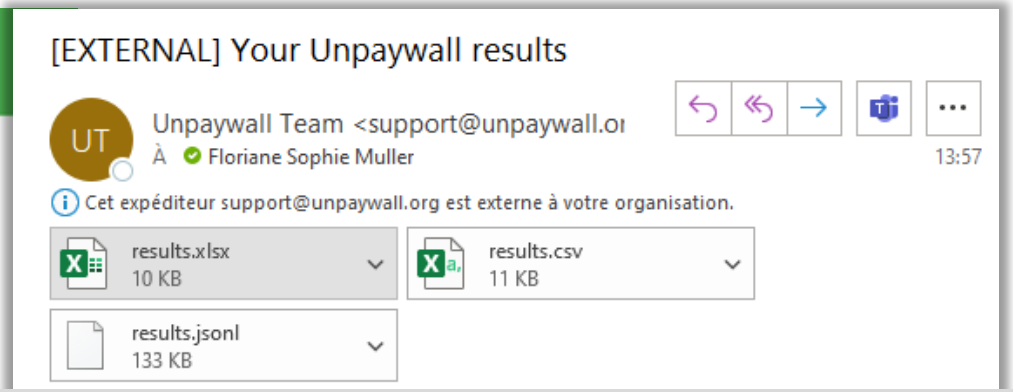

```
doi: "10.1098/rsnr.2020.0019"
doi_url: "https://doi.org/10.1098/rsnr.2020.0019"
title: "The virus in the rivers: histories and antibiotic afterlives of the bacteriophage at the sangam in Allahabad"
genre: "journal-article"
is_paratext: false
published_date: "2020-07-22"
year: 2020
journal_name: "Notes and Records: the Royal Society Journal of the History of Science"
journal_issns: "0035-9149,1743-0178"
journal_issn_l: "0035-9149"
journal_is_oa: false
journal_is_in_doaj: false
publisher: "The Royal Society"
is_oa: true
oa_status: "green"
has_repository_copy: true
best_oa_location:
  updated: "2023-02-04T21:52:45.338518"
  url: "https://dspace.mit.edu/bitstream/1721.1/128370/1/rsnr.2020.0019.pdf"
  url_for_pdf: "https://dspace.mit.edu/bitstream/1721.1/128370/1/rsnr.2020.0019.pdf"
  url_for_landing_page: "https://hdl.handle.net/1721.1/128370"
  evidence: "oa repository (via OAI-PMH doi match)"
  license: "cc-by-nc"
  version: "publishedVersion"
  host_type: "repository"
  is_best: true
  pmh_id: "oai:dspace.mit.edu:1721.1/128370"
  endpoint_id: "a996c19dace9d4ac72d"
  repository_institution: "Massachusetts Institute of Technology - DSpace@MIT"
  oa_date: "2020-11-06"
first_oa_location:
  updated: "2023-02-04T21:52:45.338518"
  url: "https://dspace.mit.edu/bitstream/1721.1/128370/1/rsnr.2020.0019.pdf"
  url_for_pdf: "https://dspace.mit.edu/bitstream/1721.1/128370/1/rsnr.2020.0019.pdf"
  url_for_landing_page: "https://hdl.handle.net/1721.1/128370"
  evidence: "oa repository (via OAI-PMH doi match)"
  license: "cc-by-nc"
  version: "publishedVersion"
  host_type: "repository"
  is_best: true
  pmh_id: "oai:dspace.mit.edu:1721.1/128370"
  endpoint_id: "a996c19dace9d4ac72d"
  repository_institution: "Massachusetts Institute of Technology - DSpace@MIT"
```


Détail des métadonnées: https://unpaywall.org/data-format

L'OUTIL SIMPLE DE RECHERCHE EN LOT



https://unpaywall.org/products/simple-query-tool



Quelques applications possibles

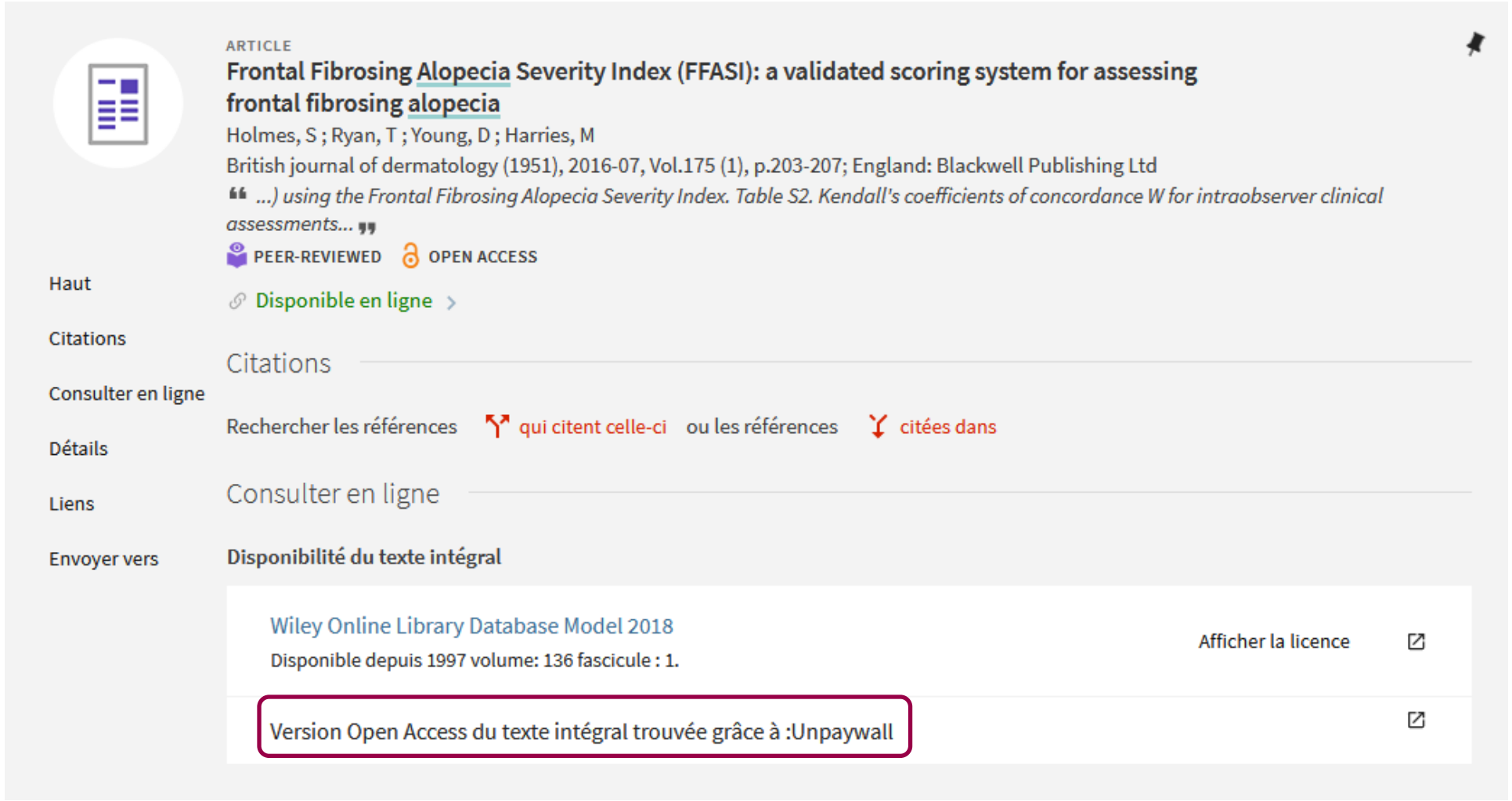
- Les mêmes qu'avec l'API
- Vérifier le niveau d'Open Access des publications d'une personne
- Corriger le niveau d'accès ou la licence de contenus présents dans son archive institutionnelle
- Retrouver une série de manuscrits auteur-es disséminés sur le web par les co-auteur-es d'une personne
- Trouver des exemples pour une formation
- …

INTÉGRÉ DANS DE NOMBREUX OUTILS

- Web of Science
- Scopus
- Dimensions
- theLens
- Swisscovery
- Zotero
- Les outils de monitoring de l'OA, comme celui du FNS par ex: https://www.snsf-oa-check.ch/
- …

- Liste complète: https://unpaywall.org/integrations

UN EXEMPLE DANS SWISSCOVERY



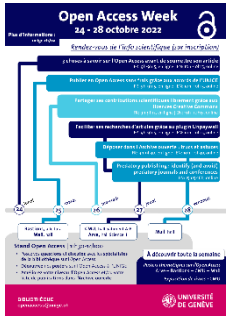
https://unige.swisscovery.slsp.ch/permalink/41SLSP_UGE/177j9fn/cdi_proquest_miscellaneous_1809048606

QUELQUES SUGGESTIONS

- Un ppt de cours librement réutilisable: https://doi.org/10.5281/zenodo.7856993 (anglais) et https://doi.org/10.5281/zenodo.8304684 (français)

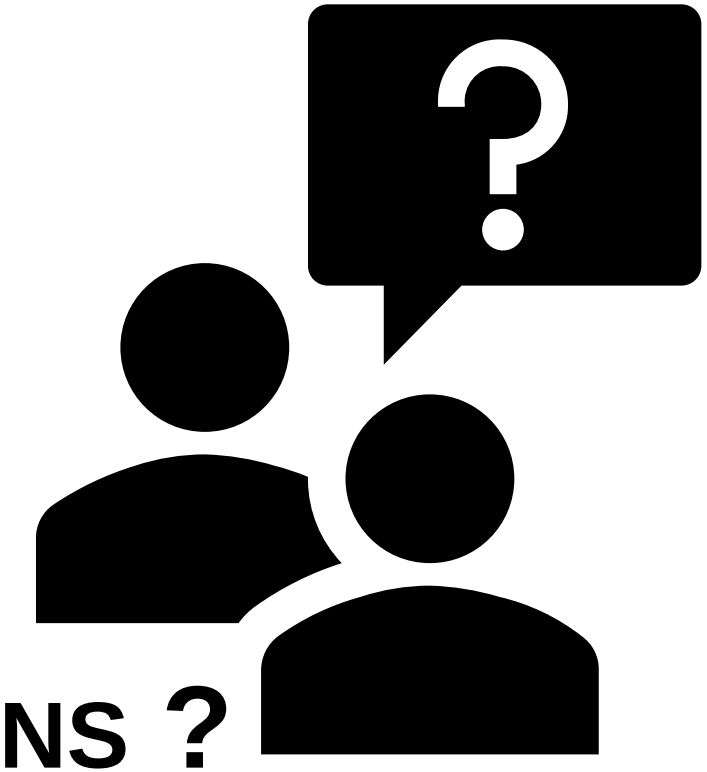
- Quand vous présentez l'outil aux usagers pour sa partie «accès» il vaut la peine de
  - Bien expliquer les versions de publication
  - Les inviter à déposer leurs manuscrits auteur-es dans une archive indexée

«Vous aussi, rendez vos articles disponibles en les ajoutant dans l'Archive ouverte UNIGE: https://archive-ouverte.unige.ch/»



- Contacter unpaywall si votre archive n'est pas bien indexée dans l'outil

- Trouver des exemples clés: Identifier quelques articles (idéalement par des auteur-es de votre institution) absents de vos abonnements pour lesquels une version librement accessible existe dans unpaywall/votre archive



QUESTIONS ?

Floriane.Muller@unige.ch

(basé sur une présentation de Floriane Muller, Bibliothèque de l'UNIGE, 2021 révisée en 2022 avec Anouk Santos, puis revue et complétée par Floriane Muller en 2023)